PATENT ABSTRACTS OF JAPAN

(11)Publication number: 09-154583

(43) Date of publication of application: 17.06.1997

(51)Int.Cl. C12N 15/09 C07H 21/04 C07K 16/44

C12N 1/21 C12P 21/02 G01N 33/53

GO1N 33/531 A61K 39/395

(21)Application number: 07-316872 (71)Applicant: TANPAKU KOGAKU KENKYUSHO:KK

(22)Date of filing: 05.12.1995 (72)Inventor: KIKUCHI MASAKAZU

HIROSE MIKA

(54) ANTIGLUTATHIONE ANTIBODY AND ITS PRODUCTION

W

Len Tar Ark Ass Lys fae Lys Ser Ark Gly his 5 10 41 (57)Abstract:

The Cin Tye His His Val And Tye And His Tye Con

PROBLEM TO BE SOLVED: To produce a new antiglutathione antibody protein, available from a certain kind of a phage display library without immunizing an animal, capable of bonding to glutathione and a protein modified with the glutathione and useful for detecting or determining the glutathione.

Ale fro Asp Vel Arg Thr Gl. Arg

SOLUTION: This new antibody protein is an immunologically active polypeptide, containing at least an amino acid sequence represented by formula I to IV In a CDR3 region or its derivative in which one or more amino acids are deficient, inserted or

Cyn Tro Gib And Led

glutathione or a protein modified with the glutathione. The protein is useful for detecting or determining the glutathione

substituted or its active fragment and capable of bonding to

essential for controlling a redox state of a cytoplasmic reticulum and making a protein form a correct structure. The antibody is

obtained by finding a DNA capable of coding a polypeptide capable of specifically bonding to the glutathione from a certain kind of a phage display library without performing operations to immunize a mammal such as a mouse with an antigen and then expressing the resultant DNA.

対応なし、英沙

(19)日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11)特許出願公開番号

特開平9-154583

(43)公開日 平成9年(1997)6月17日

(51) Int.Cl. ⁶	識別記号	庁内整理番号	F	[技術表示箇所
C 1 2 N 15/09	ZNA	9282-4B	C 1	2 N	15/00		ZNAA	
C 0 7 H 21/04			C 0	7 H	21/04		В	
C07K 16/44			C 0	7 K	16/44			
C 1 2 N 1/21			C 1	2 N	1/21			
C 1 2 P 21/02			C 1	2 P	21/02		С	
		審査請求	有	水箭	で項の数8	OL	(全 15 頁)	最終質に続く
(21)出願番号	特願平7-316872		(71)	出願力	√ 0001 4 9	974		***************************************
					株式会	社蛋白	工学研究所	
(22)出願日	平成7年(1995)12	月5日			大阪府	吹田市	占江台6丁目	2番3号
			(72)	発明者	新 菊池	正和		
					大阪府	豊能郡:	豊能町東とき	わ合7 - 4 - 16
			(72)	発明さ	省 ▲廣▼	瀬 未	果	
		ļ			奈良県	奈良市	中山町西1-	868-32
			(74)	代理人	上野代 人	青山	葆 (外2:	名)

(54) 【発明の名称】 抗グルタチオン抗体及びその製造方法

(57)【要約】

【課題】 抗グルタチオン抗体を提供する。

【解決手段】 グルタチオン及びグルタチオンで修飾された蛋白質と結合することを特徴とする抗体蛋白質。

【特許請求の範囲】

【請求項1】 グルタチオン及びグルタチオンで修飾された蛋白質と結合することを特徴とする抗体蛋白質。

【請求項2】 CDR3領域に、少なくとも配列番号 1、2、3又は4に記載のアミノ酸配列を含有する、免疫学的に活性なポリペプチド又は1個以上のアミノ酸の欠失、挿入又は置換によるその誘導体又はその活性フラグメントである請求項1記載の抗体蛋白質。

【請求項3】 配列番号5、6、7又は8に記載のアミノ酸配列を含む免疫学的に活性なポリペプチド又は1個 10以上のアミノ酸の欠失、挿入又は置換によるその誘導体又はその活性フラグメントである請求項1記載の抗体蛋白質。

【請求項4】 請求項 $1\sim3$ のいずれかに記載の抗体蛋白質をコードするDNA。

【請求項5】 配列番号1、2、3又は4に記載のアミン酸配列をコードする塩基配列を含有する請求項4記載のDNA。

【請求項6】 請求項4又は5記載のDNAを含有する 発現ベクター。

【請求項7】 請求項6記載の発現ベクターで形質転換された宿主細胞。

【請求項8】 請求項7記載の宿主細胞を培養し、培養物から免疫学的に活性な生成物を分離することを含む、抗グルタチオン抗体の製造方法。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明が属する技術分野】本発明は、抗グルタチオン抗体及びその製造方法に関し、さらに詳しくは、グルタチオンと特異的に結合することができ、抗グルタチオン抗 30体活性を有する抗体蛋白質又はその活性なフラグメント、それをコードするDNA、該DNAを含有する発現ベクター、該発現ベクターで形質転換された宿主細胞、並びにこれらを利用して抗グルタチオン抗体を製造する方法、及びこのようにして製造された、抗グルタチオン抗体に関するものである。

[0002]

【従来の技術】生体は外界からの異物に対して自己を守る防御機構をそなえている。その代表的なものが自己と異物とを厳密に識別する免疫である。この異物を認識するのは免疫グロブリンあるいは抗体と呼ばれる蛋白質であり、異物を抗原(非自己抗原)という。利根川らによって免疫グロブリンの遺伝子が解明された[(Maki, R. et al., Proc. Natl. Acad. Sci, USA, 77, 2138 – 2142 (1980)]ととによって、その構造遺伝子や抗原に対する多様性獲得の機構が遺伝子レベルで明らかにされた。図1に示すように、抗体蛋白質は2本の重鎖(H鎖)と2本の軽鎖(L鎖)からなる4量体によって形成されている。上鎖の約半分と日鎖の約3/4は、抗原の種類が変わってもそのアミノ酸配列はほとんど変わらないために

2

定常(C)領域と呼ばれ、L鎖、H鎖をそれぞれCL, CH と呼ぶ。また残りの部分は抗原の種類によってアミノ酸 配列が変わるために可変(V)領域と呼ばれ、L鎖、H 鎖をそれぞれVL、VHと呼ぶ。さらにV領域の中には、抗 原によってアミノ酸配列が極めて変わり易い超可変領域 (CDR, complementarity determining region) が3箇 所あり、それぞれCDR1、CDR2、CDR3と呼ばれている。抗 体の遺伝子はDNAの再配列によって抗体の多様性、すな わちそれぞれの異物を特異的に認識して結合する活性を 産み出している。再配列後のB細胞から得られた抗体遺 伝子では、L鎖遺伝子はV、J、Cの三つの遺伝子断片が、 またH鎖遺伝子は、V、D、J、Cの四つの別々の遺伝子断 片が寄せ集まって形成されている。すなわち、これらの 遺伝子断片の連結のされ方が変化することによって、遺 伝子がコードするアミノ酸配列に多様性が生じる。な お、Jは接合(joining)を、Dは多様性(diversity)を意味 する。例えば、マウスのH鎖の遺伝子は約100個のV断 片、約20個のD断片、及び4個のJ断片と1個のC断片 の組み合わせから形成されているが、その再配列、すな わち各断片からの遺伝子の選択とそれらの結合とによっ 20 て多くの多様性を生じる。またCDR1とCDR2はV断片によ ってコードされ、CDR3はV断片の3'末端領域、D断片及 び〕断片の5′末端領域によってコードされている。従 って、CDRの中にあってCDR3のアミノ酸配列が一番変化 に富んでいる。

【0003】 通常、1種類の抗原によって複数のリンパ 球クローンが刺激されるので、ほとんどの抗原に対する 応答はポリクローナルである。その結果得られる免疫血 清(ボリクローナル抗体という)は、抗原分子の詳細な 機能解析や抗原分子の抗原決定基地図の作成などには利 用できない。ところが、細胞融合技術が確立された[Koh ler, G. & Milstein, C., Nature, 256, 495 - 497 (197 5)]ととによって、抗原に対して特異性を持った単一の 抗体(モノクローナル抗体という)を作出するハイブリ ドーマ技術が確立された。この技術はモノクローナル抗 体を基礎研究や診断剤として使用する多くの実際面での 応用例を生みだしてきた。その反面、抗原でマウスを免 疫するという繁雑な操作が必要であると同時に、自己の 持つ成分や低分子量の化合物に対しては、通常免疫応答 が引き起こされないために、それらに対する抗体を得る ことができないという問題点を有している。

[0004]

【発明が解決すべき課題】最近、自己成分の認識の機構に破綻をきたした自己免疫疾患の存在が数多く明らかにされてきた。このような自己成分の1つにグルタチオンがある。グルタチオンは低分子量であって、その血中や尿中の濃度が上昇するとグルタチオン血症(glutathion enia)などの疾患を引き起こす。また、癌細胞の耐性獲得にも関与していることが示唆されている。グルタチオンは主として小胞体に存在して小胞体の酸化還元状態を

コントロールしており、蛋白質が正しい構造を形成する 上で必須の成分である。さらには蛋白質のジスルフィド と反応して、そのジスルフィド基を維持する機能や過酸 化水素遊離反応基と反応して解毒する機能をも有する。 従って、とのようなグルタチオンあるいはグルタチオン で修飾された蛋白質を迅速に検出しかつ定量する手法が 望まれている。そのためには抗体の利用が望ましいが、 グルタチオンは自己成分であると同時に分子量が小さい ため、これまでの技術では抗体を取得することは不可能 であった。

[0005]

【課題を解決するための手段】本発明者らは、グルタチ オンに対して特異的な結合活性を有する抗体を提供する ことを目的として鋭意、研究を重ね、ある種のファージ ディスプレイライブラリー(phage display library)か ら、グルタチオンと特異的に結合し得るボリペプチドを コードするDNAを得、該DNAを用いて目的の抗グル タチオン抗体活性を有するポリペプチドを製造すること に成功した。即ち、本発明は、グルタチオン及びグルタ チオンで修飾された蛋白質と結合することを特徴とする 抗体蛋白質を提供するものである。本発明の抗体蛋白質 は、グルタチオンに特異的に結合するものであればいか なるものであってもよいが、好ましくは、CDR3領域 に、少なくとも配列番号1、2、3又は4に記載のアミ ノ酸配列を含有する、免疫学的に活性なポリペプチド又 は1個以上のアミノ酸の欠失、挿入又は置換によるその 誘導体又はその活性フラグメントであり、さらに好まし くは配列番号5、6、7又は8に記載のアミノ酸配列を 含む免疫学的に活性なポリペプチド又は1個以上のアミ ノ酸の欠失、挿入又は置換によるその誘導体又はその活 性フラグメントである。本発明はまた、抗グルタチオン 抗体をコードするDNAを提供するものである。本発明 のDNAは、少なくとも、配列番号1、2、3又は4に 記載のアミノ酸配列をコードする塩基配列を含有すると とが好ましい。本発明はまた、該DNAを含有する発現 ベクターを提供するものである。さらに、本発明は該発 現べクターで形質転換された宿主細胞を提供するもので ある。本発明はまた、該宿主細胞を培養し、培養物から 免疫学的に活性な生成物を分離することを含む、抗グル タチオン抗体の製造方法を提供するものである。

【0006】本明細書中、「免疫学的に活性なポリペプ チド」及び「免疫学的に活性な生成物」なる語句は、それ らがin vivoで惹起される抗グルタチオン抗体と同様に グルタチオンを認識し、特異的に結合する活性を有する 物質であることを意味する。また、本明細書では、本発 明の抗グルタチオン抗体を表すために、「蛋白質」及び 「ポリペプチド」を相互変換可能に用いている。このよ うに、本発明の抗体蛋白質若しくはポリペプチド、又は そのフラグメントは、免疫学的な意味において、抗グル タチオン抗体と同等であることから、それらを総合的に 50 ドをファージ表面で発現させた状態を示している。図

「抗グルタチオン抗体」とも呼称する。本発明により、 抗グルタチオン抗体をコードするDNAが開示されたの で、それを用いて当該技術分野でそのDNAの合成もで きるし、既知のアミノ酸の欠失、挿入及び置換の手法に 従い、抗グルタチオン抗体活性を有する誘導体も得ると とができる。従って、本発明はそのようにして得られる 誘導体をも包含するものである。さらに、抗体は、抗原 を認識し、結合する免疫学的な活性を保持している限

り、適当な長さの断片であってもよい。従って、本発明 10 は、そのような活性フラグメントをも包含するものであ る。断片化は、当業者既知の方法で行うことができる。 [0007]

【発明の実施の形態】以下に本発明の抗グルタチオン抗 体の製造について説明する。本発明の抗体はファージデ ィスプレイライブラリー(phage display library)[Wint er, G. and Milstein, C., Nature, 349, 293 - 299 (1 991)]の1種であり、Nissimらによって作成された公知 のライブラリー[Nissim, A., et al., EMBOJ., 13, 692] - 698 (1994)]から選択された。このライブラリーは以 下に記載の方法や文献に従って当業者が作製できる。フ ァージディスプレイライブラリーは、特に、自己及び/ 又は低分子量抗原に対する抗体の選択に好都合である。 例えば、環状一重鎖DNAを持った大腸菌のファージ、例 えばファージfdを利用した場合、その表面に発現してい るコート蛋白質、例えばq3p (gene 3 protein) のN末端 にペプチド'や蛋白質をつないで、目的とするペプチド や蛋白質をファージの表面に発現させ、その機能を調べ ることができる。従って、大腸菌を用いてファージ表面 に一重鎖のFvフラグメント(VHの下流にリンカーを介し てVLをつないだもの、scFvともいう)、あるいはFa bフラグメント(抗体のVL,CL1とVH,CH1からなるヘテロ 二量体〉(図2参照)を、表現させることができる[Hoo genboom, H. R.et al., Nucleic Acids Res., 19, 4133 - 4137 (1991)]。後者のように、重鎖部分をファージ 表面に発現させた場合は、軽鎖部分を同時に分泌発現さ せ、大腸菌のペリプラズム内で両者を再構築してFabと することができる。一方、抗体フラグメントとファージ コート蛋白質との間にアンバー変異を入れておき、かつ 宿主を使い分けることによって、フラグメントを可溶性 蛋白質として回収することもできる。従って、in vivo [Marks, J. D.et al., J. Mol. Biol., 222, 581 - 597 (1991)]あるいはin vitro[Hoogenboom, H. R. & Winte r, G., J. Mol. Biol., 227, 381 -388 (1992)]で再配 列させたV遺伝子を使ってより多彩な組合せを作れば、 動物を免疫する方法によらず、同一ライブラリーから異 なる結合能をもった抗体を単離できる。

【0008】このように、とれらのライブラリーから外 来抗原、自己抗原を含めていろいろな抗体を選択すると とが可能である。なお、図2はg3pを介して抗体ペプチ

中、(a)はFabフラグメント(抗体のVκ ,CκとVH,CH1 からなるヘテロ二量体)を、(c)は一重鎖のFvフラグ メント(VHの下流にリンカーを介してVκをつないだも の)を、g3pを介してそれぞれファージ上で発現させた 状態を示している。様々なVH 及びVL遺伝子の組合せは ボリメラーゼ 鎖反応(PCR)によって増幅されたリンパ球 の数に由来しており、様々なフラグメントがランダムに 対をなすことによって形成される。このようにして作成 したライブラリーから、数回の選択を繰り返して目的と する物質に対する結合能を有するファージが選び出され る。即ち、既に公知の方法でヒトの末梢血リンパ球から mRNAを抽出して相補DNAを調製し、PCR法によって人工的 に再配列させた抗体のV遺伝子を増幅してそのレバート リーを調製する。このH鎖及びL鎖のV領域を線状ファーシ ・の表面に表現させたライブラリーを構築し、この多様 な組み合わせから目的とする抗体を取得できる。

【0009】既述のごとく、本発明の抗グルタチオン抗 体は、公知のライブラリー[Nissim,A., et al., EMBO J., 13, 692 - 698 (1994)]から選択された。このライ ブラリーは、4から12残基からなるランダムなアミノ 酸配列を導入できるようにデザインされたPCRプライマ ーを使って人工的なCDR3を造成し、その結果得られたCD R3領域をもつVH遺伝子[Hoogenboom, H. R. & Winter, G., Nucleic Acids Res., 227,381 - 388 (1992)]を含 んでいる。とのライブラリーは、in vitroで再配列され た50のヒト生殖細胞VH遺伝子からなる種々の組合せ のヒトVI遺伝子とL鎖としてヒトVλ 3遺伝子とを組合 せ、これらを前述した単鎖FVフラグメント (sc FV)とし てファージ上に発現させたものである。50の生殖細胞 VH断片の一つ一つはVHファミリーに基づくブライマーで あるVHBACKSfiとHSLP4- HSLP12[Marks, J. D., et al., J. Mol. Biol., 222, 581 - 597 (1991)]を使って増幅 することができる[Hoogenboom, H. R. & Winter, G., N ucleic Acids Res., 227, 381- 388 (1992)].

【0010】ヒトのVH断片のCDR1、CDR2の配列多様性 は、生殖細胞由来のおよそ50のVH断片の種類によって 決められている[Tomlinson, I. M., et al., J. Mol. B iol.,227, 776-798(1992)]。またCDR3の配列は生殖細胞 由来のVH断片の配列、及びおよそ30個のD及び6個のJ 断片の組み合わせで生成するので[Ichihara, Y., eta 1., EMBO J., 7, 4141-4150 (1988)]、極めて変化に富 んでおり、かつアミノ酸残基の数も4-25残基と異な っている。従って、HSLPプライマーはJ断片と4から1 2個のアミノ酸からなるランダムな配列 [(A/C, N, N) n, (nは4 - 12, Nは塩基A,T,G,Cを示す)〕を持つDNA 断片を導入できるようにデザインされる。さらにプライ マーの3 末端部分は、Vr断片のFR3 (CDR2とCDR3をコ ードする領域にはさまれた遺伝子上の領域)にアニール できるようデザインする。しかるに、HSLPの配列は5'-G AC CAG GCT ACC TTG GCC CCA[(A/C)nNN]TCT TGC ACA GT 50

A ATACAC COC CGT GTCである。鋳型はそれぞれのVHセグ

メントをコードしている組換えML3ファージを感染させた10°の大腸菌として供給されている。

【0011】最初のPCRは、例えば94℃で1分間処理して一本鎖にしたDNAKC、VHBACKSfiとHSLPのプライマーを共存させて55℃で1分間アニーリングする。続いて4種類のデオキシリボヌクレオチド3リン酸(dNTP)の共存下で72℃で1.5分、DNAボリメラーゼと反応させる。この反応を25回繰り返してDNAを増幅する。2回目のPCRでは、JH断片の3'末端側にクローニングのために制限酵素切断部位、例えばSalIサイトを導入する。この場合には、プライマーとしてVHBACKSfi(既祖)とJHSAL [Nissim, A., et al., EMB0 J., 13, 692 – 698 (1994)]とを使って、さらに15回PCR反応を繰り返し、DNAを増幅する。ここで、JHSALの配列は、5'-CCC TGA ACC GCC TCC ACC ACT CGA CAC GCT GAC CAC GGT ACC TTG GCC CCA (配列番号9)であり、下線で示した部分がSalIサイトである。

【0012】450(50の生殖細胞由来のVH断片と4 から12の9種の異なる長さを持つCDR3のPCR生成物の 合計)の試料のバンドの大きさをアガロース電気泳動で チェックした後、制限酵素NcoIとSalIで処理して得た断 片をpHEN1_Vλ3[(Hoogenboom, , H. R. & Winter, G., J. Mol. Biol., 227, 381 - 388 (1992)]∅NcoI - XhoI 切断部分と連結する。 とのベクターにはすでにVA3を コードする遺伝子が組み込まれている(図3)。なお、 図3のtagとして示される部分にc-mycペプチドの配列が 入っている。得られる抗体は図2(c)で示されるsc Fvの型でファージ上に発現される。その結果、それぞ れ少なくとも10'の異なるクローンを含む9種のファ ージミドライブラリーを構築できる。それぞれのライブ ラリーはヘルパーファージVCS-M13(Stratagene社)を使 ってファージとして取り出すととができる。これらのラ イブラリーはファージミドを大腸菌に感染させて保存す る。

【0013】ライブラリーの増殖には、およそ10*個の上述した組換え大腸菌を37℃で、例えばアンビシリンを含む50m1の培地中で600nmにおける濁度(CO)が0.5になるまで振とう培養する。次にその10m1に例えばVCS-M13あるいはM13-KO7(Stratagene社)などのヘルパーファージを、数として大腸菌の約20倍になるように加え、静置したまま37℃で30分間培養する。次に、4000rpmで10分間遠心して菌体を集め、それをアンビシリンとカナマイシンとを含む30m1の培地に懸濁した後、さらに培地を加えて300m1とし、30℃で一夜振とう培養する。

【0014】pHENIファージミド粒子の調製にあたっては、上述した培養液を例えば8000rpmで10分間遠心した後、常法に従ってファージを集めればよい。すなわち得られた上清にその1/5量のポリエチレングリコール溶液(20%ポリエチレングリコール6000、2.5MN

aC1)を加えてよく混合した後、4°Cで1時間放置する。4 000rpmで30分間遠心して得られたペレットを40m1の水に懸濁後、8m1の上記のボリエチレングリコール溶液を加え、4°Cで20分放置する。この溶液を4000rpmで30分遠心して上清を除く。このようにして得られたペレットを2、5m1の水に懸濁し、さらに4000rpmで10分遠心して残った細胞破片を取り除いて4°Cで保存する。この方法で1-5×10¹ PFLのファージが得られる。

【0015】抗グルタチオン抗体の選択のために、まずグルタチオンを、例えば牛血清アルブミン(BSA)に結合させる。方法はPierce社の手順書に従えばよい。すなわちスペーサーとしてSulfo-SMCC[スルホスクシニミジル 4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシレート]を用いてグルタチオンとBSAとを結合させる。まずpH7.0の緩衝液にBSAとその1/4置のSulfo-SMCCを溶解し、30℃で1.5時間振とうしながら反応させた後、例えばPD-10のようなゲル濾過カラムを通して結合物を得る。とのようにして得られたマレイミド化されたBSA溶液にグルタチオンを加え、撹拌しながら室温で2時間反応させる。得られた溶液を例えばPD-10のようなゲルろ過カラムを通してグルタチオンとBSAとが結合したものを選り分ける。

【0016】次にこのようにして得られたグルタチオンと結合したBSAをチューブ(Nunc-immunotube, Nunc社)に加え、室温で一夜放置する。次の日にチューブをPBS(食塩を含むリン酸バッファー)で3回洗浄した後、例えばスキムミルクを含むPBSを用いてブロッキングし、さらにPBSで3回洗浄する。上記のチューブにスキムミルク入りPBSに10¹¹から10¹¹から10¹¹PFUの上記ファージを加え、室温で反応させる。チューブは0.1%のTween-20を含むPBSで20回、さらにはPBSで20回洗浄して界面活性剤を除去する。結合したファージは例えば100mMのトリエチルアミンを加えて10分間上下に回転して溶出する、溶出されたファージは即座に中和しなければならない。得られたファージは外で保存する、このようにして得られたファージは外えば大腸菌TGIに感染させて、上記ライブラリーの増殖と同様の方法で増殖させることができて

【0017】次に、増殖した大腸菌のコロニーをアンピシリンを含む100μ1の培地を分注した96六のプレートに 40移植し、振とうしながら37℃で一夜増殖させる。次は20 0μ1の同じ培地を含む96六のプレートに各穴から少量移植して37℃で1時間振とうして培養する。各穴に10°PF UOVCS-M13を加えて37℃で30分放置した後、37℃で1時間振とうし、4000rpmで10分又は同様の条件下で遠心して上清を除く。ベレットをアンピシリンとカナマイシンとを含む200μ1の培地に懸濁して30℃で一夜振とう培養する。培養液を同様に遠心分離してその上清をファージELISAに使用する。

【0018】 このようにして選んだファージを可溶性の 50 い。

3

蛋白質として発現させる。まず10°PFLのファージを大腸菌HB21.51に37°Cで30分感染させる。これを希釈してアンビシリンを含む培地にまき37°Cで一夜培養する。生じたコロニーをアンビシリンを含む100μ1の培地を分注した96穴のブレートに移植して37°Cで一夜振とう培養する。もう一度同じ培地を含む96穴のプレートに移植して、さらに37°Cで600nmにおけるODがおよそ0.9になるまで振とう培養して増殖させる。ODが目的値に到達したら、IPFGを加えてさらに16から24時間振とうして遺伝子を誘発発現させる。4000rpmで10分遠心分離して、その100μ1をELISAにかける。

【0019】単鎖FvのL鎖の後ろにはc-mycのペプチド が連結されているので、それを認識する抗体9E10[Clack son, T., et al., Nature, 352, 624-628(1991)]を使っ て発現した単鎖FVを検出することができる。まず常法に 従ってBSAに結合させたグルタチオンをブレートの穴に コーティングする。その96穴のプレートに上述した単鎖 FVを含む培養上清を加え吸着させた後、常法通り精製し た9E10(9E10を生産するハイブリドーマはEuropean Col lections of Animal Cell Culture, Centre for Applie d Microbiology and Research (ECACC), Porton Down, Salsbury, SP4 OJK UKから受託番号851022 02として入手できる)を加えて反応させる。次にパー オキシダーゼを結合させた抗マウス抗体(Dakopatsある いはICN Biomedicals Inc. UKから入手できる)を加え て9E10に結合させて、次に洗浄する。これにABTS[2,2'azino bis(3-ethylbenzthiazoline-6-sulphonic acid) diammonium salt]と過酸化水素水を加えて20~30分放置 した後、フッ化ナトリウムを加えて405nmでの吸収を読 み、単鎖Fvの量を定量する[Nissin, A., et al., EMBO 〕., 13, 692-698(1994)]。大量の蛋白質を必要とする時 は、通常の組み換え体の培養方法に従えばよい。また培 養液から単鎖Fvを精製するには、例えば上清を限外ろ過 などの方法で濃縮する。次にグルタチオンーSートラン スフェラーゼを精製するのに用いるグルタチオンーセフ ァロース4Bカラムを用いて抗グルタチオン抗体を精製で きる。またモノクローナル抗体9E10を用いても精製が可 能である。その他単鎖Fvの精製に利用できる技術はいず れも抗グルタチオン抗体の精製に有効である。また遺伝 子を取り出して目的とするベクターにつなげば、大腸菌 に限らず酵母、枯草菌、糸状菌、昆虫細胞、動物細胞や 植物細胞など、好みに従って単鎖FVの発現に利用でき る。このようにして得られた抗グルタチオン抗体は、目 的通りグルタチオンの検出や定量に有用なことが判っ た。

[0020]

【実施例】以下に実施例を挙げて本発明をさらに詳しく 説明する。なお以下の実施例は単なる例示に過ぎず、い かなる意味においても、本発明を制限するものではな 実施例1 ライブラリーの培養

本発明の抗グルタチオン抗体の製造には、公知のNissim らのライブラリー [Nissim, A., et al., EMBO J., 13, 692 – 698 (1994)]を用いた。ライブラリー50μ1 (約10 °cells)を100μg/mlのアンピシリン (明治製菓)及び1%のグルコースを含む50mlの2 xTY (11中に16gのトリプトン、10gの酵母エキス、5gのNaClを含む)を入れた300mlのはね付きマイヤーに加え、攪拌しながら、37°Cで培養した。波長600nmの吸光度が0.5に達したとき、培養液10mlを取り、ヘルパーファージVCSーML3(Stratagene)を大腸菌TG1株とヘルパーファージの数比が1:20になるように加えた。

【0021】一方、残りの40mlは遠心して、沈殿を約0.5mlの2xTYに懸濁した後、100mg/mlのアンビシリン及び 1%のグルコースを含むTYE(11中に10cのトリプトン、5gの酵母エキス、8gのNaCl、15gのバクトアガーを含む)プレートにまき、3プCで一晩培養して、そのすべてを適量の2xTY(2~5ml)に懸濁し、最終濃度が20%になるようにグリセロールを加えて一80℃凍結保存用とした。ヘルパーファージを加えた培養液は3プCの水浴 20中で30分間培養した後、2500rpmで15分間遠心分離して上清を除いた。沈殿を100μg/mlのアンビシリンと25μg/mlのカナマイシン(和光純薬)を含む30mlの2xTYに懸濁し、あらかじめ30℃に保温した100μg/mlのアンビシリンと25μg/mlのカナマイシンを含む270mlの2xTYに加えた後、攪拌しながら30℃で一晩培養した。

【0022】実施例2 ファージの調製

実施例1に従って、一晩培養した液を8000rpmで10分間 遠心分離して沈殿を除去した後、培養上清にPEG/NaCT溶 液(20%のポリエチレングリコール6000と2.5MのNaClを 含む)を1/5容量加え、よく攪拌した後4℃で1時間放 置した。その後、8000rpmで30分間4℃で遠心分離し て、上清を取り除き、沈殿を40m1の滅菌水に懸濁して、 8m1の上記のPEG/NaC1溶液を加えた後、攪拌し4℃で20 分間静置した。4000rpmで30分間遠心分離して、上清を デカンテーションで取り除いた後、PEG/NaCT溶液を完全 に取り除くために、再度、4000rpmで10分間遠心分離し て、上清をアスピレーターで取り除いた。その後、沈殿 を2.5m1の滅菌水に懸濁して、4000rpmで10分間遠心分離 した後、上清を新しいチューブに移し、ファージ溶液を 得た。とのファージ溶液はEscherichia coli TC1株を宿 主としてファージのtiterを測ったところ、1x10¹ PFU であった。

[0023] <u>実施例3</u> グルタチオンとキャリアータンパク質との連結

[スルホスクシニミジル 4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシレート (sulfo-succinimidyl 4-(N-maleimidomethyl) cyclohexane-1-carboxylate); 以下、sulfo-SMCCと略す] 1.5mg を 1ml の100mM リン酸ナトリウム緩衝液、0.9M NaCl、0.1M EDTAを含むpH7.

0のコンジュゲート用緩衝液(以下conjugation buffer という) に溶解させ、キャリアータンパク質として牛 血清アルブミン(以下BSAと略す)(Sigma) もしくは Keyhole limpet ヘモシアニン(以下KLHと略す)(CALB IOCHEM) 4mgを加え30°Cで2時間攪拌した後、conjugatio n buffer で平衡化したPD-10カラム (Pharmacia) にか け、ImTずつ分取した。波長 280nmで各フラクションの 吸光度を測定し、一番初めに現われたビークの前後4本 を集めた。次に、グルタチオン 4mg をconjugation buf fer 0.5ml に加え、その中から、50μlを取っておき、 残りをsulfoーSMCCとキャリアータンパク質をコンジュ ゲートした溶液に加えた。4°Cで一晩もしくは室温で2時 間反応させた後、1.00mM リン酸ナトリウム、0.9M NaCl を含むpH7.0の精製用緩衝液(以下purification buffer という) で平衡化したPD-10ゲル濾過カラムにかけ、 0.5ml ずつ分取し、波長 280nmにおける吸光度を測定し て、一番大きいピークを集めた。なお、コンジュゲート した蛋白質中のグルタチオン濃度は、Elleman's反応に て測定した (Ellman, G. L. Arch. Biochem. Biophys. 94,75-81(1958))。BSA-グルタチオン溶液は、グル タチオンの濃度が約50μg/m7になるように17中に5.84g のNaCl、4.72gのNa, HPO, 、2.64gのNaH, PO, .2H, Oを含むp H7.2に調製した緩衝液(以下PBSと略す)で希釈してバ ニングのコーティング用として、また10μg/mlもしくは 1μg/ml になるように同様にPBSで希釈してELISAのコ ーティングに用いた。

【0024】<u>実施例4</u> 抗グルタチオン抗体をディスプ レイするファージの選択

約50μq/mlのBSA-グルタチオンを含むPBS溶液を 髙 蛋白結合能を持つチューブ(Nunc)もしくはマイクロタ イタープレート (Coastar) に2mlもしくは200μlずつ加 え、室温で一晩放置した。次の目、グルタチオン溶液を 除いた後、PBSを噴射びんで注ぎ、デカンテーションで 洗液を除く方法で3回洗浄した。次に、2%のスキムミル クを含むPBS(以下2%MPBSと略す)をふちまでいっぱい に満たし、ふたをして37℃で2時間放置した後、PBSで3 圓洗浄した。これに実施例2で調製した10¹² PFUのファ ージを含む2%MPBS溶液を加え、室温で2時間放置し た。その後、0.1%Tween-20を含むPBSで15回洗浄し、 次に、PBSで15回洗浄した。ファージ溶液を溶出するた めに100mMのトリエチルアミンを、チューブの場合には1 ml、ブレートの場合には100μ1ずつ加え10分間放置し た。10分間経過した後、溶出されたファージ溶液を先に 用意したトリエチルアミンの半分量の1M Tris-HCl、pH 7.4の入ったチューブに加え、直ちに中和した。

【0025】次に、あらかじめ波長600nmの吸光度が0.5 になる迄培養した大腸菌TG1株9m1にファージ液1m1を加え、37℃で30分間培養した。その後、10°から10°までの希釈系列をそれぞれ200μ1ずつ調製し、そのうちの100μ3ずつを100μq/m1のアンビシリン 及び 1% のグル

分間遠心分離して、との上清をファージ液として以下の ELISAに用いた。

コースを含むTYEプレートにプレーティングした。また、残りの培養液は、2500rpmで20分間遠心分離した後、沈殿を1m1の2×TYに懸濁し、100μg/m1のアンビシリン及び 1% のグルコースを含むTYEのプレートにプレーティングした。得られた大腸菌は抗グルタチオン抗体をディスプレイするファージを含むものとして、すべてのブレートを37℃で一晩培養した。

【0028】<u>実施例5</u> アフィニティークロマトグラフィーによる抗グルタチオン抗体をディスプレイするファージの選択

まず、Glutathione-Sepharose 4B (Pharmacia) をPB Sで膨潤し、1m1の担体としカラムにつめPBSで洗浄し た。10m1の2%MPBSでブロッキングした後、実施例2で 得た10° PFUのファージを含む2%MPBS溶液をこのカラム にかけた。その後、1.0ml のPBS、10ml の2%MPBS、10ml の0.5MNaC?--50mMTris-HCl、pH7.5、10mlの0.5MNaCl -50mMTris-HCl, pH8.5, 10ml @0.5MNaCl-50mMTris -- HC1、pH9.5で順にカラムを洗浄した後、5m1 の100mM トリエチルアミン を用いてファージを溶出した。その 際、溶出されたファージをすぐに中和するために、実施。 例4と同様にして溶出液を採取するチューブに前もっ て、2.5ml の1.0M Tris-HCl、pH7.4を加えておいた。と のファージ溶液を2m1取って前もって600nmに於ける吸光 度が0.5になるように培養しておいた大腸菌宿主TG1 の培養液10m1に加えた。37°Cで30分間培養した後、100 μlを取って100μg/ml のアンピシリン 及び 1% のグ ルコースを含むTYEプレートにまき、次の日、プレート に出てきたコロニー数を数えた。また、残りの培養液 は、遠心して菌体を沈殿させた後、200μ1の2 x TYで懸 濁し100μg/ml のアンピシリン 及び 1% のグルコース を含むTYEプレートにまいた。選択されたコロニーは、 実施例6のELISAに供した。

体をディスプレイするファージの検出 実施例4または5で選択した抗グルタチオン抗体をディ スプレイするファージによって生じたコロニー570個 を、100μg/ml のアンビシリン 及び 1% のグルコース を含む100μ1の2xTYの入った96ウェルのマイクロタイ タープレート(Corning)に接種し、攪拌しながら37°C で一晩培養した。次の日、培養液の30μ7を取って100μ g/ml のアンピシリン 及び 1% のグルコースを含む200 μ1の2 x Tyの入った96ウェルのマイクロタイタープレ ートに移し、攪拌しながら37°Cで1時間培養した。その 後、各ウェルに10° PFUのVCS―ML3ヘルパーファージと10 0μg/ml のアンピシリン 及び 1% のグルコースを含む 25 μ 1 の 2 x TYを加えて、37°Cで30分間静置し、さらに1 時間攪拌した後、2000rpmで30分間遠心分離して、上清 を除去した。沈殿を100μg/ml のアンピシリン 及び50 μg/ml のカナマイシンを含む200μ1の2 x TYIC 懸濁 し、攪拌しながら30°Cで一晩培養した後、2000rpmで30

【0027】実施例6 ELISAによる抗グルタチオン抗

【0028】96ウェルのマイクロタイタープレート (Co astar) に10μg/m1のBSA-グルタチオンを50μ1ずつ加 え、室温で一晩静置した後、PBSで1回プレートを洗っ てから、200μ lの2%MPBSを各ウェルに加え、室温で2時 間放置し、ブロッキングした。その後、各ウェルにすで に調製したファージ溶液を50μ1ずつ加え、2時間室温で 放置した後、0.05% Tween20を含むPBSで1回、PBSで2回 10 洗浄した。とのウェルにホースラディッシュパーオキシ ダーゼ(以下HRPと略す)コンジュゲート抗ML3ファージ 抗体(Pharmacia)を50μ7ずつ加え、室温で1時間放置し た。その間に、2,2'-アジノビス(3-エチルベンゾチアゾ リン)-6 スルホン酸 ジアンモニウム塩 (2,2'-Azino bi s (3-ethylbenzothiazoline)-6 sulfonic acid diammon ium salt;以下ABTSと略す) 10mgを20mlの50mMのクエン 酸、pH4.5に加え、発色液とした。プレートを0.05%Twe en20を含むPBSで2回、PBSで2回洗った後、上記の発色液 に36μ1のH, O, を加え、よく混ぜた後、各ウェルに50μ1 ずつ加えた。20~60分室温で放置した後、マイクロブレ ートイムノリーダーを用いて、波長405mmの吸光度の値 を測定し、グルタチオンーキャリアー蛋白質に対する結 合能を調べた。その結果、570コロニー中、波長405nmの 吸光度の値が0.5以上のものが24コロニー、0.1~0.5ま でのものが57コロニー得られた。これらのコロニーをKL Hーグルタチオンを抗原としたELISAを行なったところ、 すべてのコロニーで結合活性が認められた。また、BSA を抗原としてELISAを行なったところ、42個のクローン で結合活性が認められなかった。この結果に基づいて、 グルタチオンーキャリアー蛋白質に特異的に結合する抗 体をディスプレイするファージとしてこれらの42個のク ローンを選択した。

【0029】<u>実施例7</u> 抗グルタチオン抗体単鎖Fv (sc Fv)フラグメントの検出

1) 抗体sc Fvフラグメントの調製

これまで述べた過程で、グルタチオンとの結合能を持つことが確認されたクローンを、抗体フラグメントとして働くことができるかどうかを調べた。調製されたファージを一部とって、大腸菌宿主HB21.51に接種した。37℃で40 30分間水浴中で培養した後、100μg/m1のアンビシリン及び1%のグルコースを含むTYEプレートにまいて、一晩37℃で培養して生じたコロニーをブレートからとって100μg/m1のアンビシリン及び1%のグルコースを含む2.5m1の2xTYに移し、攪拌しながら一晩37℃で培養した。次の日、培養液50μ1をとって100μg/m1のアンビシリン及び0.1%のグルコースを含む30m1の2xTYを入れた200m1のマイヤーに加え、37℃で培養し、波長600nmの吸光度の値が0.9になったら、最終濃度が1mMになるようにイソプロビルチオーβーDーガラクトシド(Isopropy)thio-βーD-qalactoside:以下IPTGと略す)を加

え、攪拌しながら30℃で16~24時間培養した。その後、 遠心分離して菌体を除去し、上清を濾過して別の容器に 移し、10倍程度に濃縮して抗体フラグメント溶液とし た。残りの培養液の一部は、等量の80%グリセロールを 加えて、一80°Cで保存した。

【0030】2)抗 c-myc 抗体 の調製 本発明の抗体は、図3にtagとして示すように、c-my cペプチドは抗体のC末端に結合した形で発現されるの で、該ペプチドに対する抗体を用いて検出することがで きる。そとで、抗体scFvフラグメントの検出に必要であ 10 る抗 c-myc モノクローナル抗体をハイブリドーマを用 いて調製した。まず、抗 c-myc 抗体を産生するハイブ リドーマMycl 9E10 (ECACCより85102202として 入手可能)を10% のウシ胎児血清(以下FCSという)を 含むRPME 1640培地(Gibco)10mlで一晩3プC、5%CO。で培 養した。次の日、細胞数を数え、10°/m7になるように希 釈した後、一晩37°C、5%CO。で培養した。5日間、細胞 数のカウントと希釈を繰り返した後、細胞を十分に増や すため1週間37℃、5%CO,で培養した。次に、培養液を 濾過し、上清をFPLCシステム(Pharmacia製)を用いて5 20 OmM クエン酸が12.8%、100mMリン酸水素二ナトリウム が87.2%の緩衝液で平衡化したsuper protein Gカラム (Pharmacia製) にかけた。同じ緩衝液で洗浄した後、5 OmM クエン酸が89.2%、100mM リン酸水素二ナトリウム が10.8%の緩衝液で溶出し、溶出液を中和するために、 1ml あたり150μlの1.0M Tris-HCl緩衝液を加えた。そ の後、この溶出液を50mM クエン酸が12.8%、1.00mM リ ン酸水素ニナトリウムが87.2%の緩衝液で平衡化したpr otein Gカラム(Pharmacia製) にかけ、洗浄後、50mM ク エン酸が89.2%、100mM リン酸水素二ナトリウムが10.8 30

【0031】3) 抗体sc Fv フラグメントのELISAに よる検出

て2mg/mlに調製して抗体溶液とした。

%の緩衝液で溶出した。1mlあたり150μlの1.0M Tris-HCI緩衝液を加えて中和した後、PBSにバッファー交換し

実施例6のファージ溶液を用いたELISAによる検出の場 合と同様に、BSAーグルタチオンを用いたコーティング 及びブロッキングを行なった。その後、各ウェルに2% のスキムミルクを含む50μ1の抗体フラグメント溶液を 加えた。2時間室温で放置した後、ウェルを0.05%Tween 20を含むPBSで1回、PBSで2回洗い、上記2)で調製した 4μq/ml の9E10 抗体 (抗マウス c-myc 抗体)を50μlず つ加え、90分間室温で放置した。ウェルを0.05%Tween2 0を含むPBSで2回、PBSで2回洗い、次にHRP コンジュゲ ート抗マウス抗体 (Sigma) を 50μ1ずつ加え、90分間 室温で放置した。その間に、10mqのABTSを20mlの50mM クエン酸、pH4.5に溶解し、ABTS溶液を調製した。0.05% Tween20を含むPBSで2回、PBSで2回ウェルを洗った後、 上記のA8TS溶液に36μ1のH, O, を加えた溶液を各ウェル に50μ1ずつ加えた。20~60分間室温で放置した後、波

長405mmの吸光度の値を測定し、抗体フラグメントの8SA ーグルタチオンとの結合能を測定して以下の結果を得 tc.

【0032】95個のクローンについて測定を行なったと とろ、波長405nmの吸光度の値が0.5以上のものが10コロ ニー、0.2から0.5までのものが19コロニー得られた。ま た、これらの29個のコロニーについてBSAを抗原としてE LISAを行なったところ、BSAに対する結合活性がほとん ど認められなかったものが14コロニー、少し活性があっ たものが11コロニー、波長405nmの吸光度の値が0.1以上 あったものが、4コロニー得られた。そこで、BSAに対す る結合活性がほとんど認められなかったものと少し活性 が認められたものをBSAーグルタチオンに特異的に結合 する抗体として選択した。

【0033】実施例8 イムノブロッティングによる抗 グルタチオン抗体の検出

1) ドットブロッティングによる検出

実施例6のELISAによって結合活性が認められたクロー ンについて、結合特異性を調べるためにドットブロッテ ィングを行った。適当な大きさのPVDF膜(Milipore)を メタノールとPBSで洗った後、BSAーグルタチオン、KLH ーグルタチオン、BSAを1ドットにつき、約2μgずつPVO F膜に結合させて、10%MPBSで室温で1時間ブロッキング を行なった。0.2%Tween20を含むPBSでメンブレンを5分 間,2回洗浄し、0.2%Tween20と2%スキムミルクを含 む、実施例6で得たファージ溶液(10¹¹PFU/m]) l m] を、メンブレンを入れたハイブリバッグに加えた。4℃ で一晩振盪した後、0.2% Tween 20を含む PBS で 5分, 2回 洗い、0.2%Tween20を含む2%MPBSで5000倍に希釈したH RPとコンジュゲートしたヒツジ抗ML3抗体(Pharmacia) を1m1加え、室温で2時間振盪した。その後、0.2%Tween 20を含むPBSで5分,2回、PBSで5分,2回洗い、ジアミノ ベンチジン溶液(0.5mq/m1)30m1を染色用容器に移し、 使用直前に BO を10m7加え、メンブレンを入れた。室温 で約15分 から30分程度(染色の度合いによって変え る)振盪した後、メンブレンを蒸留水に移し反応を止め た。蒸留水でよく洗った後、風乾してドットを観察した ところ、6D5、11C12、11D10、11F12、17B8、17H8、18B1 0及び18C2のクローンに、BSAに対する結合活性は見られ なかったが、BSAーグルタチオン及びKLHーグルタチオン への結合活性が認められた。従って、これらのクローン がグルタチオンを認識すること、及びグルタチオンで修 飾された蛋白質の検出に有効であることが明らかになっ 12.

【0034】2) ウェスタンブロッティングによる検

上記1)のELISAによって結合活性が見られた18810、18 C2のクローンについて、さらに結合活性について調べる ためにウェスタンブロッティングを行った。BSAーグル 50 タチオンを 1 ウェルにつき約5μgのせ、Laemmliらの方

法(Laemmili, U., Nature, 227, 680-685(1970)) 亿従 い、10%のSDSボリアクリルアミドゲルでSDS-PAGEを行 なった。その後、HyBond-ECL膜(Amersham) にセミドラ イ法によって電圧7V、90分のエレクトロブロッティング を行ない、10%MPBSで室温で2時間ブロッキングを行な い、0.2%Tween20を含むPBSでメンブレンを5分、2回洗 い、0.2%Tween20及び2%スキムミルクを含む実施例6 で得たファージ溶液(10¹¹ PFU/ml) 1 mlをメンブレンを 入れたハイブリバッグに加えた。4°Cで―晩振盪した 後、メンブレンを0.2%Tween20を含むPBSで5分,2回洗 った後、HRPとコンジュゲートしたヒツジ抗M13抗体を0. 2% Tween20を含む2% MPBSで5000倍希釈して加え、室温 で2時間振盪した。その後、0.2%Tween20を含むPBSで15 分,2回、PBSで5分,2回洗い、余分な水分を除去した 後、化学発光によりハイブリダイズした抗体の検出が可 能であるECL kit (Amersham)の I 液と 2 液を等量加え、 1分間綴く振盪した。その後サランラップで覆い、オー トラジオグラフィーしたところ、1881.0及び1802におい

てBSAーグルタチオンへの結合活性が認められた。 【0035】実施例9 抗グルタチオン抗体をディスプ レィしたファージのグルタチオンによる競合阻害 実施例6で抗グルタチオン抗体をディスプレィすること が確認されたクローンについて、キャリヤータンバク質 とコンジュゲートしたグルタチオンのみでなく、グルタ チオンそのものに対する結合活性があるかどうかを調べ るために還元型グルタチオンを用いたELTSA法による競 合阻害実験を行った。実施例6及び8で確認された抗グ ルタチオン抗体をディスプレィする11F12、18B10、18C2 及び6D5の各クローンについて競合阻害実験を行った。 還元型グルタチオンをPBSに溶解し、1~10 °mg/mlまで の希釈系列を100μ1ずつ調製した。96ウェルのマイクロ タイタープレートに必要なウェルの分だけ10μg/mlのBS Aーグルタチオンを50μ1ずつ加え、室温で一晩静置した 後、PBSで1国プレートを洗ってから、200μ7の2%MPBS を各ウェルに加え、室温で2時間放置し、ブロッキング した。その後、各ウェルに4%MPBSを25μ1ずつ加えた。 続いて、各ウェル当たり10° PFU/50μ1を含むように調 製したファージ溶液20μ1と、調製した還元型グルタチ オン5μ1を含むように調製したPBS溶液を25μ1ずつ加え た。また、ポジティブコントロールとして、グルタチオ ンを加えないウェルにはPBSを5μ1ずつ加えた。

【0036】3時間室温で放置した後、0.05%Tween20を含むPBSで1回、PBSで2回洗浄した。このウェルにHRPコンジュゲート抗M13ファージ抗体(Pharmacia)を50μ1ずつ加え、室温で1時間放置した。その間に、ABTS 10mgを20m1の50mMのクエン酸、pH4.5に加え、発色液とした。プレートを0.05%Tween20を含むPBSで2回、PBSで2回洗った後、上記の発色液に36μ1のH₂Q。を加え、よく混ぜた後、各ウェルに50μ1ずつ加えた。20~60分室温で放 **

* 置した後、マイクロプレートイムノリーダーを用いて、 被長405nmの吸光度の値を測定し、グルタチオンーキャ リアー蛋白質に対する結合能を調べた。クローン13F1 2、18B10、18C2及び6D5による競合阻害実験の結果を、 それぞれ、図4~7に示す。図中、縦軸は波長405nmの 吸光度、横軸は還元型グルタチオンの量を表す。これら の図から明らかなように、13F12、18B10、18C2及び6D5 のそれぞれのクローンのグルタチオンとの結合活性は、 還元型グルタチオンを加えると、グルタチオンの量に依 存して減少しており、これは、本発明のクローンが抗グ ルタチオン抗体であることを示すものである。

ELISAで活性が認められたクローンの内、11F12、18B10、 18C2及び6D5について塩基配列を決定し、CDR3領域と生 殖系列 (germ line) を調べた。塩基配列決定は、Sange rらの方法(Sanger,F., Nicklen,S. and Coulson, A. R. (1977) Proc.Natl. Acad. Sci. USA, 74卷, 5463頁-54 67頁)に従い、ABIの373A DNA シークェンサーを使用し て蛍光色素が結合したダイデオキシNTPによるターミネ ーター法で塩基配列を決定できるPRISM ready terminat or kit を用いて行なった。ウェスタンブロッティング などのために、大量に調製したファージの中から、一部 をとって、単鎖(ss)のファージDNAを調製し、テンプレ ートとした。プライマーには、CDR3領域の直後の1.8mer の配列(CAGGTACCTTGGCCCCA:配列番号10)と軽鎖の可 変領域のなかの18merの配列(GCCCACAGACACAGCAGG: 配列 番号11)を用いた。テンプレートがssDNAなので、0.8p molのブライマー(二重鎖(ds)DNAの場合には、3.2pmo 1) を用いた。プライマーとテンプレート及びプレミッ クス(ABI社)をSangerらの方法に従って、混合し、 96°Cで30sec., 50°Cで15sec., 60°Cで4min.、サイクル シークェンス反応を行なった。サイクルシークェンス反 応が終了した後、プロトコールに従って、CTAB沈殿法を 用いて、DNAの精製を行なった。

【0038】まず2.5m1の5% CIAB-0.5M NaC1 を加え、軽く機拌した後、10,000rpmで5分間遠心分離して得た沈殿を1.2M NaC1 50mlに懸濁した後、125mlの100% エタノールを加え、激しく機拌し、10,000rpmで5分間遠心した。上清を取り除き、沈殿に500mlの70%エタノールを加え、30秒間激しく機拌した後、10,000rpmで5分間遠心して上清を取り除いた。その後、沈殿を風乾してサンプルバッファー(脱イオン化ホルムアミド+EDTA+ブルーデキストラン)4mlを加え、サンブル溶液とした。サンブル溶液をDNAシークェンサーにかけ、塩基配列を決定した。これらクローンの特徴は以下の表に示す通りである。

[0039]

【表1】

CDR3(アミノ酸配列)

12

:17

6D5

11F12

VH1; DP-25 VH1; DP-25

18B10 VH3; DP-47 CWEDL(配列番号4)

LTRNKFKSROH (配列番号 I) TQYHMRYRHYL(配列番号2)

5

AWDVRTER(配列番号3) *ライブラリー名:Nissimライブラリー

【0042】配列番号:3

クローン名:18B10

配列の長さ:8

配列の型:アミノ酸

トポロジー:直鎖状 配列の種類:ペプチド

配列:

18C2 VH3; DP-45 クローン11F12をコードする塩基配列及びそれから推定 する塩基配列及びそれから推定されるアミノ酸配列を配 10 ある。クローン6D5をコードする塩基配列及びそれか 20

【0040】配列番号:1

配列の長さ:11 配列の型:アミノ酸 トポロジー:直鎖状

配列の種類:ペプチド

持つことがわかった。

起源

直接の起源

ライブラリー名:Nissimライブラリー

5

クローン名: 11F12

配列:

Leu Thr Arg Asn Lys Phe Lys Ser Arg Gly His

10 11

【0041】配列番号:2

配列の長さ:12 配列の型:アミノ酸 トポロジー:直鎖状 配列の種類:ベプチド

起源

直接の起源

*

されるアミノ酸配列を配列番号5に示す。配列番号5に おいて、アミノ酸番号31-35はCDR1領域、アミノ酸 番号50-66はCDR2領域、アミノ酸番号99-109 はCDR3領域に相当する。また、クローン18B10をコード 列番号6に示す。配列番号6において、アミノ酸番号3 1-35はCDR1領域、アミノ酸番号50-66はCDR2領 域、アミノ酸番号99-110はCDR3領域に相当する。 クローン18C2をコードする塩基配列及びそれから推定さ れるアミノ酸配列を配列番号7に示す。配列番号7にお いて、アミノ酸番号31-35はCDRI領域、アミノ酸番 号50-65はCDR2領域、アミノ酸番号98-105は CDR3領域に相当する。但し、18C2のCDR3領域のアミノ酸 のうち、No.104グルタミン酸は、アンバーコドンで ら推定されるアミノ酸配列を配列番号8に示す。配列番 号8において、アミノ酸番号31-35はCDR1領 域、アミノ酸番号50-66はCDR2領域、アミノ酸 番号99-103はCDR3領域に相当する。また、EL ISAで活性のあった他のクローン(11C12、11D10、17B 8, 17H8, 18B10) についてもシークェンスを行なった が、上記の4つのクローンのいずれかと同じ塩基配列を

直接の起源

起源

ライブラリー名:Nissimライブラリー

クローン名:18C2

配列:

Ala Trp Asp Val Arg Thr Glu Arg

Thr Gln Tyr His His Val Arg Tyr Arg His Tyr Leu

【0043】配列番号:4

配列の長さ:5 配列の型:アミノ酸 トポロジー:直鎖状 配列の種類:ペプチド

起源

直接の起源

ライブラリー名: Nissimライブラリー

30 クローン名: 6D5

配列:

Cys Trp Glu Asp Leu

【0044】配列番号:5

配列の長さ:109 配列の型:アミノ酸 トポロジー:直鎖状 配列の種類:ペプチド

起源

40 直接の起源

ライブラリー名: Nissimライブラリー

クローン名:11F12

配列:

CAG GTG CAG CTG TTG CAG TCT GGG GCT GAG GTG AAG AAG CCT GGG CCC Gln Val Gln Leu Leu Gln Ser Gly Ala Glu Val Lys Lys Pro Gly Pro

20

```
10
                                                      15
             TCA GTG AAG GTT TCC TGC AAG GCT TCT GGA TAC ACC TTC ACT AGC TAT
             Ser Val Arg Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Ser Tyr
                      20
                                     25
             OCT ATG CAT TGG GTG CGC CAG GCC CCC GGA CAA ACG CTT GAG TGG ATG
             Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Arg Leu Glu Trp Met
                    35
                                  40
                                                45
             CGA TOG ATC AAC OCT CGC AAT GGT AAC ACA AAA TAT TCA CAG AAG TTC
             Gly Tro Ile Asn Ala Gly Asn Gly Asn Thr Lys Tyr Ser Gln Lys Phe
                 50
                               55
             CAG GCC AGA GTC ACC ATT ACC AGG GAC ACA TCC GCG AGC ACA GCC TAC
             Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Arg Asp Thr Ser Ala Ser Thr Ala Tyr
                            70
                                          75
             ATG GAG CTG AGC AGC CTG AGA TCT GAA GAC ACG GCC GTG TAT TAC TGT
                                                            288
             Met Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys
                         85
                                        90
             CCA ACG TTG ACG CGT AAT AAG TTT AAG TCG CGT GGT CAT
                                                            327
             Ala Arg Leu Thr Arg Asn Lys Phe Lys Ser Arg Gly His
                      100
                                    105
                                               109
【0045】配列番号:6
                                     20*配列の種類:ベブチド
配列の長さ:110
                                        起源
配列の型:アミノ酸
                                        直接の起源:Nissimライブラリー
トポロジー:直鎖状
                                        クローン名:1.8B10
             配列:
             GAG GTG CAG CTG GTG GAG TCT GGG GGA
             GGC TTG GTA CAA CCT GGG GGG
                                                           4.8
             Glu Val
                        Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly
             Gly Leu Val Gln Pro
                                         Gly Gly
              1.0
                                           15
             TCC CTG AGA CTC
                                         TGT GCA GCC TCT
                                   TCC
             GGA TTC ACC
                              TTT
                                   AGC
                                         AGC AAT
                                                           96
             Ser Leu Arg
                              Leu
                                   Ser Cys Ala Ala Ser
                        Thr
             Gly Phe
                              Рhе
                                    Ser
                                         Ser Asn
                                20
                                                            25
                                     3.0
             GCC ATG AGC TGG GTC CGC CAG ACT CCA
             GGG AAG GGG CTG GAG TGG GTC
             Ala Met Ser Trp Val
                                         Arg Gln
                                                    Thr Pro
             Gly Lys Gly
                              Leu Glu
                                         Trp Val
                          35
                                                       40
                                45
             TCA GCT ATT AGT
                                   GGT AGT GGT AGC
             ACA TAC TAC GCA GAC
                                         TCC GTG
                                                        192
             Ser Ala
                        lle
                              Ser
                                    Gly
                                         Ser Gly Gly Ser
                  Туг
             Thr
                        Туг
                              Ala Asp
                                         Ser Val
                    5.0
                                                 55
                          60
             AAG GGC CGG TTC ACC ATC TCC AGA GAC
             AAT TCC AAG AAC ACG CTG TAT
```

```
(1.2)
                                                                 特開平9-154583
                   21.
              Lys Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp
               Asn Ser Lys Asn Thr Leu Tyr
                6.5
                                               7.0
                      75
                                                      8.0
              CTG CAA ATG AAC AGC CTG AGA GCC GAG
              GAC ACG ACC GTG TAT TAC TGT
                                                               2.88
              Leu Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu
              Asp Thr Thr Val
                                       Туг
                                             Tyr Cys
                                         8.5
                90
                                               95
              GCA AGA ACG CAG TAT CAT CAT GTG AGG
              TAT CGT CAT TAT
                                       TTG
                                                                 330
               Ala Arg Thr Gln Tyr His His Val Arg
               Tyr Arg His
                                 Туг
                                       Leu
                                 100
                                                                 105
                                        1 1 0
[0046]配列番号:7
                                          *配列の種類:ペプチド
配列の長さ:105
配列の型:アミノ酸
                                            直接の起源:Nissimライブラリー
トポロジー:直鎖状
                                       *20 クローン名:18C2
              配列:
              GAG GTT CAG CTG GTG GAG TCT GGG GGA GGC TTG GTA CAG CCT GGG GGG
                                                                    48
              Glu Val Gln Leu Val Glu Ser Gly Gly Gly Leu Val Gln Pro Gly Gly
                                           10
              TEC CTG AGA CTC TCC TGT GCA GGC TCT GGA TTC ACC TTC AGT AGC TAT
                                                                    96
              Ser Leu Arg Leu Ser Cys Ala Gly Ser Gly Phe Thr Phe Ser Ser Tyr
                         20
                                        25
                                                        30
              GCT ATG CAC TGG GTT CGC CAG GCT CCA GGA AAA GGT CTG GAG TGG GTA
                                                                   144
              Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Lys Gly Leu Glu Trp Val
                      35
                                     40
                                                     45
              TCA GCT ATT GGT ACT GGT GGC ACA TAC TAT GCA GAC TCC GTG AAG
                                                                   1.92
              Ser Ala Ile Gly Thr Gly Gly Gly Thr Tyr Ala Asp Ser Val Lys
                                  55
              OGC CGA TTC ACC ATC TCC AGA GAC AAT GCC AAG AAC TCC TTG TAT CTT
                                                                   240
              Gly Arg Phe Thr Ile Ser Arg Asp Asn Ala Lys Asn Ser Leu Tyr Leu
                                              75
               CAA ATG AAC AGC CTG AGA GCC GAG GAC ACG GCC GTG TAT TAC TGT GCA
               Gln Met Asn Ser Leu Arg Ala Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys Ala
                           85
              AGA OCT TOG GAT GIT CGT ACG TAG AGG
                                                                   31.5
              Arg Ala Trp Asp Val Arg Thr Glu Arg
                        1.00
                                       105
【0047】配列番号:8
                                          ※配列の種類:ペプチド
配列の長さ:102
                                            起源
配列の型:アミノ酸
                                            直接の起源:Nissimライブラリー
トポロジー:直鎖状
                                       ×
                                            クローン名:605
              配列:
              CAG CTC CAG CTT CTG CAG TCT GGG GCT GAG GTG AAG AAG CCT GGG GCC
                                                                    48
              Gln Val Gln Leu Val Gln Ser Gly Arg Glu Val Lys Lys Pro Gly Ara
```

(13)23 TCA GTG AAG GTT TCC TGC AAG GCT TCT GGA TAC ACC TTC ACT AGC TAT 96 Ser Val Lys Val Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Ser Tyr 25 OCT ATG CAT TOG GTG CGA CAG GCC CCT GGA CAA GGA CTT GAG TGG ATG 144 Ala Met His Trp Val Arg Gln Ala Pro Gly Gln Gly Leu Glu Trp Met OCA TOG ATC AAT GCT CGC AAT GGT AAC ACA CCA TAT GCA CAG AAG TTC Gly Trp Ile Asn Ala Gly Asn Gly Asn Thr Ala Tyr Ala Gln Lys Phe 55 CAG GGC AGA GTC ACC ATA ACC AGG GAC ACG TCC ATG AGC ACA GCC TAC 240 Gln Gly Arg Val Thr Ile Thr Arg Asp Thr Ser Met Ser Thr Ala Tyr 65 70 75 ACG GAG CTG AGC AGC CTG AGA TCT GAG GAC ACG GCC GTG TAT TAC TGT 288 Thr Glu Leu Ser Ser Leu Arg Ser Glu Asp Thr Ala Val Tyr Tyr Cys 85 GCA AGA TGT AGG GAG GAT TTG 309 Ala Arg Cys Arg Glu Asp Leu 100 1.03 【0048】配列番号:9 * 鎖の数: 一本鎖 配列の長さ:51 20 トポロジー:直鎖状 配列の型:核酸 配列の種類:合成DNA 配列: CCCTGAACCG CCTCCACCAG TCGACACGGT GACCAGGGTA CCTTGGCCCC A 51. 【0049】配列番号:10 ※鎖の数:一本鎖 配列の長さ:17 トポロジー:直鎖状 配列の型:核酸 配列の種類:合成DNA 配列: CAGGTACCTT GGCCCCA 17 【0050】配列番号:11 ★鎖の数:一本鎖 配列の長さ:18 30 トポロジー: 直鎖状 配列の型:核酸 配列の種類:合成DNA 配列: GGCCACAGAC ACAGCAGG 18 【図面の簡単な説明】 【図3】 プラスミドpHEN1-V λ 3の模式図。

【図1】 抗体を示す模式図である。

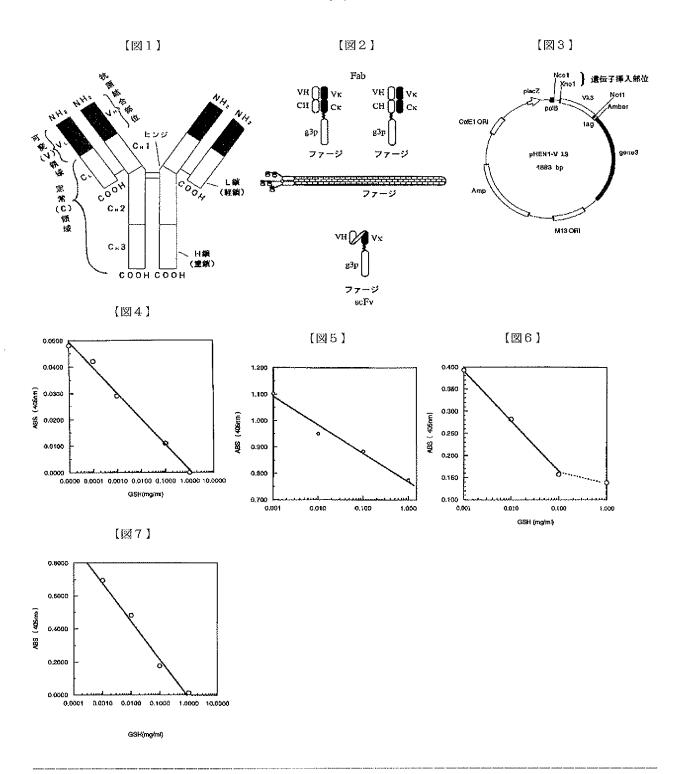
【図2】 抗体ペプチドのg3pを介するファージ表面 での発現の状態を示す模式図であり、図中、(a)はFa bフラグメント (抗体のVκ,CκとVH,CHIからなるヘテロ 二量体)、(h)はファージの模式図、(c)は一重鎖 40 【図6】 クローン18C2を用いた競合阻害実験の結果を のFvフラグメント(VHの下流にリンカーを介してVπを つないだもの)の、g3pを介するファージ上での発現の 状態を示している。

【図4】 クローン11F12を用いた競合阻害実験の結果 を示すグラフ。

【図5】 クローン18810を用いた競合阻害実験の結果 を示すグラフ。

示すグラフ。

【図7】 クローン6DSを用いた競合阻害実験の結果を 示すグラフ。



フロントページの続き

 (51)Int.Cl.*
 識別記号
 庁内整理番号
 FI
 技術表示箇所

 G 0 1 N
 33/531
 G 0 1 N
 33/531
 D

 33/531
 A

// A 6 1 K 39/395

(C 1 2 N 1/21

C 1 2 R 1:19)

(C 1 2 P 21/02

C12R 1:19)

A 6 1 K 39/395 D